

Fac-simile Offerta Tecnica

CIG 6900907

Il sottoscritto _____
in qualità di _____
dell'Impresa _____

CONSAPEVOLE CHE

la Commissione giudicatrice può escludere il concorrente per mancata dimostrazione delle caratteristiche minime e/o di assegnare punteggio anche pari a zero relativamente agli aspetti migliorativi non chiaramente esplicitati o non idoneamente documentati

DICHIARA

di essere a conoscenza del fatto che il Capitolato Speciale d'Appalto, in particolare nella Premessa e all'art.1, descrive in maniera dettagliata i requisiti minimi vincolanti della prestazione e di aver formulato un'offerta che soddisfa integralmente tali requisiti.

In ordine alle eventuali caratteristiche migliorative: si allega relazione descrittiva del servizio offerto, avendo cura di seguire rigorosamente l'ordine delle voci migliorative come indicate nella tabella di cui all'Art.5, lett. A) della Lettera di Invito, per comodità qui di seguito riportata:

1) MODALITA' DI ESECUZIONE DELLE ANALISI	Max punti 35, distribuiti come di seguito indicato
a) Utilizzo dei pacchetti software <i>FusionAnalyser</i> (per RNA-seq) e <i>CEQer</i> (per Whole-Exome-seq)	Fino a punti 5
b) Sviluppo di software per analisi <i>custom</i> <ul style="list-style-type: none"> ▪ software grafico in ambiente windows (winforms o WPF) in grado di processare dati genomici (e.g. whole-exome) da set di pazienti affetti da uno specifico 	Fino a 15 punti

<p>fenotipo, incrociare i dati con database presenti in letteratura e con Bam files da controlli e generare analisi statistiche utili all'identificazione di varianti germline responsabili della patologia, tra cui analisi di gene ontology, sia individuale che combinata su ontologie multiple, rappresentazione dell'occorrenza mutazionale su grafici di ontologie, co-occorrenza a livello di gene e mutazione, principal component analysis (PCA), hierarchical clustering, over-representation analysis;</p> <ul style="list-style-type: none"> sviluppo di tool grafici in ambiente windows (winforms o WPF) per effettuare analisi di co-occorrenza tra dati di ChIP-Seq e dataset di DNA-protein interaction (e.g. Encode). 	
c) Disponibilità a sequenziare senza un numero minimo di campioni per corsa	Fino a 15 punti
2) ULTERIORI ASPETTI MIGLIORATIVI	Max punti 35 distribuiti come di seguito indicato
<p>d) TEMPO DI CONSEGNA: (MASSIMO 30 GIORNI LAVORATIVI DALL'INVIO DEI CAMPIONI)</p> <p>I PUNTI SARANNO CALCOLATI SECONDO LA SEGUENTE FORMULA: $30,00 \cdot T_{min} / T_{off}$</p> <p>$T_{off}$ = tempistica offerta dal concorrente in esame T_{min} = tempistica minore fra le offerte presentate</p>	Punti 35

Data, _____

 (timbro dell'Impresa e firma
 del rappresentante dichiarante.)

Si allega fotocopia del documento di identità del firmatario (qualora diverso dal Legale Rappresentante, allegare altresì originale o copia conforme all'originale dell'atto che attesta i poteri di firma e di impegno economico del firmatario).