

Fulvio Magni è uno dei maggiori esperti di spettrometria di massa (SM) e delle sue applicazioni in campo biomedico, riconosciuto non solo in Italia ma anche a livello internazionale, soprattutto nello sviluppo ed applicazioni della tecnologia di Imaging con SM. Egli ha esperienze in Biochimica Clinica e in Proteomica-Metabolomica. Negli ultimi anni, ha ottenuto finanziamenti per più di 3.300 k€ ed è il PI dell'unità di Proteomica e Metabolomica Clinica dell'Università di Milano-Bicocca.

#### EDUCAZIONE

1991: Dottorato in Farmacologia and Tossicologia, Facoltà di Farmacia, Università di Milano, Italia

1984: Laurea in Chimica e Tecnologie Farmaceutiche, Facoltà di Farmacia, Università di Milano, Italia

#### POSIZIONE ATTUALE

2016-Presente: Professore Ordinario di Biochimica, Dipartimento di Medicina e Chirurgia, Università di Milano-Bicocca, Italia

Il Prof. Magni ha esperienza in molte delle tecniche di proteomica (identificazione di proteine e caratterizzazione delle loro modificazioni post-traduzionali con approcci gel-base e gel-free, quantificazione label-based e label-free e di imaging con spettrometria di massa). Negli ultimi anni ha attivato varie linee di studio nel campo della Proteomica Clinica per la ricerca di biomarcatori in campioni solidi (tessuti e colture cellulari) e in fluidi biologici. In collaborazione con unità cliniche (urologi e anatomopatologi) e con unità di scienza della vita (biochimici e biochimici clinici) ha realizzato un ampio progetto finalizzato a definire il proteoma del tessuto renale normale e tumorale (RCC). Successivamente ha esteso la sua attività allo studio del proteoma dei fluidi biologici (siero, plasma, urina e liquido amniotico) per cercare possibili biomarcatori in diverse patologie: carcinoma renale, nefropatia diabetica, rottura prematura delle membrane amniocoriali e glomerulonefriti. Negli anni più recenti sta utilizzando la tecnica di "imaging mediante spettrometria di massa" per indagare la distribuzione spaziale delle proteine analizzando direttamente i tessuti. Sta applicando questa nuova tecnologia per studiare il tumore della tiroide, il tumore renale e le glomerulonefriti a fini diagnostici, prognostici e di predizione della risposta terapeutica.

E' stato membro del Comitato di Gestione delle seguenti Cost Actions: (BIOMEDICINE AND MOLECULAR BIOSCIENCES): **BM0702**: European kidney and urine proteomics ([www.eurokup.org](http://www.eurokup.org)) and **BM1104**: Mass Spectrometry Imaging: New Tools for Healthcare Research. Attualmente fa parte del Comitato di Gestione della Cost Action CA16113 CliniMARK: 'good biomarker practice' to increase the number of clinically validated biomarkers'.

E' stato PI di una unità del progetto: **FP7-PEOPLE-2013-ITN**; Initial Training Networks (ITN); Title: Clinical and system -omics for the identification of the MOlecular DEterminants of established Chronic Kidney Disease.

Ha esperienza nella stesura di progetti di ricerca sia per bandi nazionali che internazionali (vedi sotto). Inoltre ha collaborazioni con diverse PMI.

#### Finanziamenti ottenuti come PI o Coordinatore negli ultimi anni

**2006-07:** MURST - PROGRAMMI DI RICERCA SCIENTIFICA DI RILEVANTE INTERESSE NAZIONALE - COFIN04 (DM n. 582/2006 del 26 MARZO 2006) *Titolo progetto: Ricerca sistematica di marcatori molecolari del carcinoma renale con nuove tecniche proteomiche e genomiche.*

**2009-2013** FIRB - Fondo per gli Investimenti della Ricerca di Base (Decreto Direttoriale 1 dicembre 2006 prot. n. 2689/Ric./2006) *Titolo progetto: Rete Nazionale per lo studio della Proteomica Umana (RBRN07BMCT\_011)*

**2009-2012** Istituto Italiano di Tecnologia (IIT) *piano strategico 2009-2011. Progetti SEED: "Isoelectric focusing chip-array for protein profiling of biological samples with MALDI detection"*

**2011-2013** Progetto finanziato da Regione Lombardia nell'ambito del "Fondo per la promozione di Accordi Istituzionali" istituito con DGR N. 5200/2007, integrato con DGR N. 8545/2008, approvato con Decreto N. 4779/2009 . Progetto NEDD

**2013-2017** **FP7-PEOPLE-2013-ITN**; Funding scheme: Initial Training Networks (ITN); Title: Clinical and system -omics for the identification of the MOlecular DEterminants of established Chronic Kidney Disease.

**2017-2020** Bando AIRC 2016 "Application of a proteomic-based thyroid lesions classifier in cytopathology by MALDI-imaging"